

ANALYSE IN SILICO DES SEQUENCES D'ACIDES NUCLEIQUES ET PROTEIQUES : NIVEAU 1 - DÉBUTANTS

du 20 au 23 mars 2017

4 jours / 32 heures

1850 € (TVA 0% incluse)

ENCADREMENT

En cours de recrutement

DOCUMENTS

PDF sur clé USB des illustrations de cours

ÉVALUATION

Attestation de formation délivrée par l'Université

INFORMATION et INSCRIPTION

01 57 27 82 34 – fcsdvi@univ-paris-diderot.fr

► PUBLIC

Techniciens, ingénieurs et chercheurs des entreprises et des collectivités dans le domaine des sciences du vivant.

Pré-requis : avoir l'habitude d'utiliser un ordinateur, avoir une adresse électronique consultable à distance, savoir naviguer sur Internet. Formation non destinée à des étudiants ayant acquis récemment ces notions.

► COMPETENCES VISEES

Connaissances des notions théoriques et des approches d'analyse des séquences protéiques et nucléiques.

Remise à niveau éventuelle pour les personnes souhaitant manipuler des séquences.

L'accent sera mis sur l'organisation et la gestion des résultats sur un ordinateur.

► LIEU

UFR Sciences du Vivant, bâtiment Lamarck B, 35 rue Hélène Brion, Paris 13^e

PARTIE THÉORIQUE (2H PAR JOUR)

INTRODUCTION À LA BIOINFORMATIQUE

BASE DE DONNÉES

ANALYSE DE SÉQUENCES :

- Méthodes visuels
- Méthodes quantitatives : calcul de scores d'alignements, matrices de score, analyse statistique des résultats de scores
- Alignements dans les bases de données
- Alignements multiples et motifs
- Phylogénie

PARTIE PRATIQUE (6H PAR JOUR)

COMPRENDRE CE QU'EST UNE SÉQUENCE D'ADN ET DE PROTÉINES

INTERROGATION BASES DE DONNÉES DE RÉFÉRENCE

ALIGNEMENTS DE SÉQUENCES DANS LES BASES DE DONNÉES

RECHERCHE DE MOTIFS

CONSTRUCTION D'ARBRES PHYLOGÉNÉTIQUES

CARACTÉRISATION D'UNE SÉQUENCE INCONNUE