

# INTRODUCTION A LA PROGRAMMATION PERL

**du 06 au 08 mars 2018**

3 jours / 24 heures

**1350 €** (TVA 0% incluse)

## ENCADREMENT

Dr Anne VANET

## DOCUMENTS

PDF sur clé USB des illustrations de cours

## ÉVALUATION

Attestation de formation délivrée par l'Université

## INFORMATION et INSCRIPTION

01 57 27 82 34 – fcsdv@univ-paris-diderot.fr

### ► PUBLIC

Techniciens, ingénieurs et chercheurs des entreprises et des collectivités dans le domaine des sciences du vivant.

Ce langage de programmation est le plus adéquat pour la recherche et le tri de données à grande échelle ainsi que pour la génomique. En effet, l'utilisation simple des expressions régulières et du parsing permettra de résoudre les problèmes les plus ardues.

**Pré-requis :** savoir utiliser UNIX. Ce langage utilisé par les professionnels de la génomique est facile d'accès et ne nécessite pas une compréhension complexe de l'architecture des ordinateurs.

### ► COMPETENCES VISEES

Etre familiarisé-e à l'utilisation d'un outil de programmation

Savoir développer ses propres programmes

Pouvoir lire les programmes déjà développés par d'autres (des développeurs confirmés) et les adapter à sa propre utilisation

### ► LIEU

UFR Sciences du Vivant, bâtiment Lamarck B, 35 rue Hélène Brion, Paris 13<sup>e</sup>

## PARTIE THÉORIQUE (4H PAR JOUR)

- Pourquoi utiliser PERL
- Types de données
- Structures de contrôles
- Gestion de fichiers
- Expressions régulières
- Programmation objet : PERL/Tk
- Quelques pistes pour utiliser bioPERL

## PARTIE PRATIQUE (4H PAR JOUR)

Les deux premières journées seront consacrées à mettre en application les principes de base de la programmation par des exercices spécifiques. Les exemples donnés sont toujours en lien avec des problématiques biologiques, gestion de séquences d'ADN, de protéines, séquences multiples.

La dernière journée sera entièrement consacrée à la programmation objet, pour pouvoir mettre en place une interface graphique simple et pouvoir aborder les bibliothèques bioPERL, outil contenant plus de 1000 paquets, permettant de résoudre des problématiques biologiques.